

平成28年度 学内研究助成金 研究報告書

研究種目	<input checked="" type="checkbox"/> 奨励研究助成金	<input type="checkbox"/> 研究成果刊行助成金
	<input type="checkbox"/> 21世紀研究開発奨励金 (共同研究助成金)	<input type="checkbox"/> 21世紀教育開発奨励金 (教育推進研究助成金)
研究課題名	レトロウイルス感染阻止に関わるT細胞の分子認識機構の解明	
研究者所属・氏名	研究代表者：医学部 免疫学教室 助教 本園千尋 共同研究者：	

1. 研究目的・内容

レトロウイルス感染阻止に関わるCD4陽性T細胞から同定したTCRをモデルとして、1) TCRペプチド・MHCクラスII複合体(pMHCII)相互作用の動力学的・熱力学的な解析、ならびに、2) TCR-pMHCIIの結晶構造解析により、レトロウイルス感染制御に関わるTCR-pMHCII相互作用の特性について、物理パラメーターならびに結晶構造の両面から分子機序の解明を目指す。

2. 研究経過及び成果

我々は免疫系が完成した成体マウスに致死性の赤白血病を誘発するフレンド白血病ウイルスをモデルとして、レトロウイルス感染制御に関わるCD4陽性T細胞応答について解析を進めてきた。その成果として、発症感受性の(BALB/c × C57BL/6)F1マウスに強い感染防御能を誘導する抗原エピトープとして、i18ペプチド(FV env462-479: HPPSYVYSQFEKSYRHKR)を同定し、唯一回の免疫操作でレトロウイルス感染に対し強い抵抗性が誘導出来ることを示した(Miyazawa. M. et al. J. Immunol. 148: 748-758, 1995)。さらに、我々は抗原特異的なCD4陽性T細胞応答の解析ツールとして、ペプチド・MHC Class II四量複合体(MHC II テトラマー)を独自に調製することに成功し、i18特異的CD4陽性T細胞のTCRのレパートリーについて詳細な解析を行った。その結果、i18特異的CD4陽性T細胞から同定したTCRの種類はマウス個体間(N=5)で全く異なっていた。さらに興味深いことに、各個体内のTCRのレパートリーは非常に限定されており、約70%以上が同一のTCRで構成されていた(未発表データ)。これらの結果は、弱い感染防御能しか与えないfnペプチド(FV env121-141: DEPLTSLTPRCNTAWNRLKL)に特異的なTCRレパートリーが、個体間ならびに個体内において多様性に富んでいる結果と相反している。以上より、強い感染防御能を有するi18ペプチドで誘導したCD4陽性T細胞は、各個体間によって異なり、且つ、個体内で極めて限定されたTCRを有することが明らかになった。このことは、i18ペプチドは複数の異なるTCRに認識されやすい構造的な性質を有していることが示唆している。

そこで複数の結合能が異なるi18特異的TCRに着目し、レトロウイルスベクターを用いてマウスT細胞に遺伝子導入し、T細胞上にTCRが再構成できるかMHC II テトラマーに対する結合能を指標として調べた。その結果、i4-TCRはT細胞表面に再構成されることが明らかになった。また実際にi4-TCRを再構成したT細胞はi18ペプチドをペルスした細胞に対してIFN-gの産生を認めた。このことから、i18特異的TCRは機能的にマウスT細胞の表面に再構成されることが明らかになった。さらにi18特異的TCRの交差反応性を明らかにするため、アラニン置換したi18ペプチドに対する応答性を調べた。その結果、i18ペプチドのN末端ならびにC末端側のアラニン置換に対して認識能を維持していたが、中央部分のアラニン置換に対して認識が低下していた。このことから、i18特異的TCRの認識にはi18ペプチドの中央部分のアミノ酸が重要であることが示唆された。

3. 本研究と関連した今後の研究計画

1. 可溶性 TCR ならびに pMHCII 蛋白質の調製

可溶性 i18 特異的 TCR 蛋白質を大腸菌の発現系を用いて調製を行う。

2. TCR-pMHCII 相互作用の動力学的解析

調製した TCR ならびに pMHCII 蛋白質を用いて、Biacore で TCR-pMHCII 相互作用の動力学的解析を行う。結合速度定数(Kon)ならびに解離速度定数(Koff)のパラメーターを算出し、解離定数($K_d = K_{off}/K_{on}$)を指標として、結合の強さを評価する。

3. TCR-pMHCII 相互作用の熱力学的解析および結晶構造解析（Cardiff 大学での実験）

等温滴定型熱量測定を用いて、TCR-pMHCII 相互作用について熱力学的解析を行う。解離定数 K_d に加えて、エンタルピー変化 (ΔH) ならびにエントロピー変化 (ΔS) を算出し、それらを指標として TCR-pMHCII 相互作用の熱力学的安定性について評価する。また TCR-pMHCII の結晶構造解析により、i18 ペプチドのどのアミノ酸部位が各 TCR に認識されているのか、その全体像を原子レベルで明らかにする。

4. 成果の発表等

発表機関名	種類(著書・雑誌・口頭)	発表年月日(予定を含む)
第16回国際免疫学会(豪州)	口頭発表	2016年8月25日